

هوش تطوری : الگوریتم ژنتیک و برنامه نویسی ژنتیک

(1) مسئله SAT : فرض می کنیم عبارت داده شده در فرم CNF باشد :

یعنی به صورت عطف تعدادی کلاوز در قالب $(x_i \vee x_j \vee \dots \vee x_k)$

الف) کدوموزوم : $x = (x_1, x_2, x_3, \dots, x_n)$

ژن ها : x_i ها با مقادیر 0/1

ب) تابع برازش : $F(x) =$ تعداد کلاوزهای مساوی true (یعنی 1) در عبارت CNF

ج) تقاطع یک نقطه ای : دو والد که F بختی دارند از یک نقطه بختش جدا بند و به صورت ضرب در می بریم

ستقل می شوند و دو فرزند تولید می کنند.

از آنجا که هر والد تعداد نسبتاً بالایی کلاوز true دارد، احتمال اینکه فرزند حاصل

در این تعداد کلاوز true بیشتری باشد، بالا می رود.

جست : یک متغیر (ژن) انتخاب می شود و مقدار آن flip می شود.

با این کار ترکیباتی که از ترکیب والد ها ساخته نمی شوند هم احتمال پیدایش خواهند داشت.

د) خیر، چون ممکن است عبارت ارضاناپذیر باشد، الگوریتم بر دنبال ترکیبی برای ارضاء کردن عبارت می گردد

که در این صورت چنین ترکیبی وجود ندارد.

(2) الف) کدوموزوم : یک رشته دودویی $3 \times 16 = 48$ بیت ژن ها : بیت ها

هر کدوموزوم را به سه قسمت مساوی 16 بیتی تقسیم می کنیم : اگر رشته بیتی، به صورت :

$$b = b_{15} b_{14} b_{13} \dots b_2 b_1 b_0$$

باشد و معادل بیتی 10 آن به صورت d نشان داده شود $(d)_{10} = (b)_2$ داریم :

$$x = d \times \frac{x_{max} - x_{min}}{2^{16} - 1} + x_{min}$$

$$y = d \times \frac{y_{max} - y_{min}}{2^{16} - 1} + y_{min}$$

$$z = d \times \frac{z_{max} - z_{min}}{2^{16} - 1} + z_{min}$$

ب) چون هدف ما کزیم سازی تابع برازش f است تابع برازش خود $f(x, y, z)$ می شود.

ج) تقاطع یک نقطه‌ای : یک نقطه تصادفی درخواه روی دوداده انتخاب می‌شود و با هم تبادل می‌کند.
 زیستنا حاصل حداقل از مقدار دو متغیر بهتر، بهره می‌برند.

گردد وزوم های حاصل نیز در قالب سه عدد حقیقی x, y و z قابل تفسیر هستند.
 جفتش : یک بیت تصادفی درخواه روی گورد وزوم انتخاب می‌شود و مقدار آن flip می‌شود.
 گورد وزوم حاصل مجدد سه عدد برایشان می‌دهد.

اما یکی از اعداد در این جا ممکن است تواند از ترکیب والد ها ساخته شود که جفتش آن را تولید می‌کند.

(د) برای می‌نیم سازی تمنا خیر لازم تبدیل تابع بر ارزش با ضرب کردن آن در یک مخاطبت :

$$F = -f(x, y, z)$$

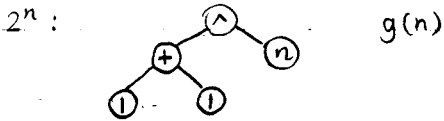
می‌نیم سازی منفی f معادل با مکزیم سازی خود f است و
 می‌نیم سازی f معادل با مکزیم سازی $-f$ است.

(۳)

الف) عبارت را در فرم درختی نمایش می‌دهیم. گره های داخلی عملگرها و برگ ها عملوندها هستند :

$$\Sigma = \{1, n, +, -, x, \div, ^\wedge\}$$

برآینه هاد باز نایمی درختی لازم نیستد و فقط برابر نمایشی استفاده می‌شوند.



ب) اگر فرمول تولید شده توسط برنامه نویسی ژنتیک در هر مورد $g(n)$ باشد می‌توان تابع بر ارزش رابه صورت

$$F = -\sum_{n=1}^N (g(n) - s(n))^2$$

در نظر گرفت که در آن N تعداد جملات اول دنباله و $s(n)$ مقدار واقعی مورد انتظار عناصر دنباله است.

هر چه F بر مونتزدیک تر شود، یعنی خطا کمتر است و فرمول بهتری پیدا شده است.

ج) تقاطع : یک زیرهفت است لندیک گورد وزوم باز بر درخت دیگری از گورد وزوم دیگر سباده می‌شود (حاصل یک عبارت

ریاضی جدید است که بخشی از آن از یک عبارت ریاضی دیگر آمده است).

جفتش : یک عملگر می‌تواند به طور تصادفی درخواه به عملگر دیگری تبدیل شود. (گره های داخلی).

عملوندها می‌توانند به " + " " - " " * " " / " " $(n-1 یا 1)$ تبدیل شود. (برگ ها)